

FIG. 1 (a)

```

I 1 G A/S A Q* G B A N G N G N A A A N A 18
II 110 GGT GCT GCT TAA GGA GAA GCT AAT GGT AAT TAA CCT TTC GCA GCA AAT AAT GCT 164
III 1 GGA TCG GCT TAA GGA GAA GCT AAT GGT AAT GGT AAT TAA CCT TTC GCA GCA AAT AAT GCT 54
      BamHI
A R G I IC V P C Q I N R V G S V/G T N 36
GCT AGA GGT ATA TOT GTA CCA TGC CAA ATA AAC AGA GTA GGC TCT GGC ACC AAT 108
GCT AGA GGT ATA TOT GTA CCA TGC CAA ATA AAC AGA GTA GGC TCT GGC ACC AAT 108
      KpnI
A G D L A T L A T A T Q* C S T Q* C P T G 54
GCA GGT GAC TTA GCT ACT TTA GCC ACA TAA TGC AGT ACT TAA TGT CCT ACT GGC 272
GCA GGT GAC TTA GCT ACT TTA GCC ACA TAA TGC AGT ACT TAA TGT CCT ACT GGC 162
T A L D D G V T D V P D R S A A Q* C 72
ACT GCA CTT GAT GAT GGA GTG ACA GAT GTT TTT GAT AGA TCA GCC GCA TAA TGT 226
ACT GCA CTT GAT GAT GGA GTG ACA GAT GTT TTT GAT AGA TCA GCC GCA TAA TGT 216
      Sau3AI
V K C K P N F Y Y N G G S P Q* G E A 90
GTT AAA TGC AAA CCT AAC TTT TAC TAT AAT GGT GGT TCT CCT TAA GGT GAA GCT 280
GTT AAA TGC AAA CCT AAC TTT TAC TAT AAT GGT GGT TCT CCT TAA GGT GAA GCT 270
P G V Q* V P A A G A A G V/I* 105
CCT GGC GTT TAA GTT TTT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT 426 3'
CCT GGC GTT TAA GTT TTT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT GCT 216 3'
      EcoRI

```

FIG. 1 (b)

```

Segment 1:
5' GCGGATCCGCTCAGGGAGAAAGCTAATGGTAATCAGCCTTTCGACGCAATAATGCTGTAGAGGT 3'
      BamHI
3' TTACGACGATCTCCATATACACATGGTACGGTTTATTTGTCTCATCCGAGACCAATGGCCA 5'
      KpnI

Segment 2:
5' ACCGGTACCAATGCAGGTGACTTACCTACTTTAGCCACACAAATGACGTACTCAGTGTCTCTAGTGC 3'
      KpnI
3' GTCACAGGATGACCGGTGACGTGAACCTACTACCTCAGTGTCTACAAAACCTATCTAGTgc 5'
      Sau3AI

Segment 3:
5' cctgATCAGCCGACAGTGTGTTAAATGCAAAAGCTAATCTTTTACTATATGTTGTTCTCCTCAGGGT 3'
      Sau3AI
3' CCAAGAGGAGTCCCACTTGGAGGACCGCAAGTCCAAAGACGACCAAGAAAGGACCAAGTCTTAAAGcgs'
      EcoRI

```

FIG. 1 (c)

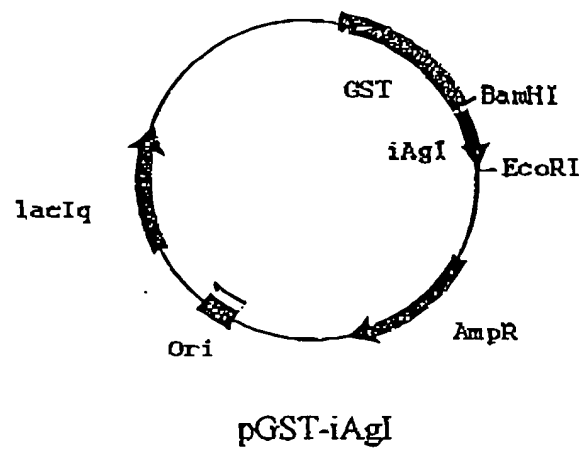


FIG. 2 (a)

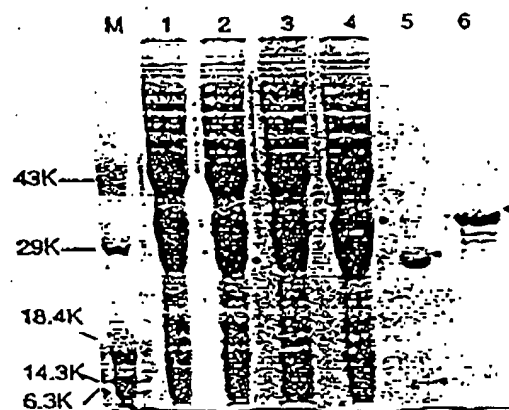


FIG. 2 (b)

